

江苏省地方标准

DB32/T 4028—2021

常染色体 STR 基因座等位基因频率参数

Allele frequency parameters of autosomal short tandem repeat (STR) loci

2021-05-14 发布

2021-06-14 实施

目 次

前言	I
引言	II
1 范围	1
2 规范性引用文件	1
3 术语和定义	1
4 群体遗传学参数计算	2
5 群体遗传学参数结果	4

前 言

本文件按照 GB/T 1.1—2020《标准化工作导则 第 1 部分：标准化文件的结构和起草规则》的规定起草。

本文件由江苏省人民医院提出。

本文件由江苏省卫生标准化技术委员会归口。

本文件起草单位：江苏省人民医院、司法鉴定科学研究院、江苏省公安厅物证鉴定中心、江苏省司法鉴定协会、南京市司法鉴定协会。

本文件主要起草人：周惠英、潘猛、李成涛、苏勇、居晓斌、陈峰、冀强、刘燕婷、崔鹤、叶琴。

引 言

科学研究表明,不同民族、不同地区人群的遗传特征存在差异。在进行人类遗传同一认定及亲权鉴定时,应采用同地区同民族的人类遗传基因频率分布资料。

本文件运用法医物证学、遗传学和统计学等学科的理论,为法庭科学采用常染色体 STR 基因座进行法医物证鉴定所涉及的亲权指数计算提供科学数据和统一标准。

常染色体 STR 基因座等位基因频率参数

1 范围

本文件规定了汉族人群 19 个常染色体 STR 基因座的等位基因频率。基因座包括：D18S51、Penta E、FGA、D6S1043、D21S11、D3S1358、vWA、Penta D、D8S1179、D12S391、D19S433、D5S818、D13S317、D7S820、D16S539、THO1、TPOX、CSF1PO、D2S1338。

本文件适用于司法鉴定机构和司法鉴定人从事法医物证鉴定的活动，其他单位可参照使用。

2 规范性引用文件

下列文件中的内容通过文中的规范性引用而构成本文件必不可少的条款。其中，注日期的引用文件，仅该日期对应的版本适用于本文件；不注日期的引用文件，其最新版本（包括所有的修改单）适用于本文件。

GB/T 37223 亲权鉴定技术规范

SF/Z JD0105010 常染色体 STR 基因座的法医学参数计算规范

3 术语和定义

下列术语和定义适用于本文件。

3.1

亲权鉴定 **parentage testing**

通过对人类遗传标记的检测，根据遗传规律分析，对个体之间的血缘关系进行判断的活动。

[来源：GB/T 37223—2018,3.1]

3.2

基因座 **locus**

基因在染色体的特定位置。

[来源：SF/Z JD0105010—2018,2.1]

3.3

等位基因 **allele**

基因座上的基因可以有多种形式，它们之间存在 DNA 一级结构的差异，这种有差异的基因互称为等位基因。

[来源：SF/Z JD0105010—2018,2.2]

3.4

平衡定律 **Hardy-Weinberg equilibrium**

用于阐述繁殖对群体的基因频率和基因型频率的影响。该定律建立在一个理想的群体模式上，即群体无限大、随机婚配、没有突变及没有大规模的迁徙和没有选择因素的影响，结论是群体中的基因频率和基因型频率在逐代传递中保持不变。

[来源：SF/Z JD0105010—2018,2.7]